

Yablokov, A. V., A. S. Baranov, & A. S. Rozanov. **Population Structure, Geographic Variation, and Microphylogenesis of the Sand Lizard (*Lacerta agilis*)**. p. 91-127.

El artículo por Yablokov *et al.* es un estudio exhaustivo de variación a diferentes niveles de suborganización específica en el lagarto de arena, *Lacerta agilis*. Examinaron 13.688 ejemplares con respecto a la ocurrencia de 222 características fenotípicas, discretas y no métricas. Reconocieron cinco niveles de afinidades infraespecíficas: la familia, el “deme”, el grupo “deme”, el grupo poblacional y la población, y estiman la tasa de intercambio genético entre grupos adyacentes de un mismo nivel, y el período de sobrevivencia de cada nivel en términos de generaciones.

Los autores discuten varias poblaciones que llaman “especies potenciales”, lo que naturalmente trae a la mente el concepto de subespecies como concebido por el sistemático (en contraste con el taxónomo). Este trabajo, como muy pocos, demuestra lo que debe y puede hacerse en lugar de tratar de fraccionar especies a un nivel subespecífico, y lamentablemente demuestra lo poco realístico que es esperar una aplicación extensa de la metodología. Se supone que las variaciones morfológicas y cromáticas encontradas responden a las diferentes demandas ecológicas, o bien a diferentes respuestas a las mismas demandas por las varias poblaciones. Como los ecosistemas locales son frágiles y, en este caso la especie bajo estudio no especialmente móvil, parece no aconsejable reconocer formalmente aquellas “especies potenciales” como subespecies aún cuando su aislamiento genético tanto como la presencia de barreras zoogeográficas les conceden potencialidad. Los autores son conscientes de los defectos de la nomenclatura infraespecífica, evitan su aplicación, y hacen una llamada para alterar el concepto actual de población, tomando en cuenta la magnitud aproximada de intercambio genético con poblaciones adyacentes.

En resumen, el trabajo presenta un enorme esfuerzo que debe encontrarse entre la literatura citada de cualquier estudio del mismo género.

Douglas C. Robinson
Escuela de Biología
Universidad de Costa Rica

Woodruff, R. C., & J. N. Thompson, Jr. **Hybrid Release of Mutator Activity and the Genetic Structure of Natural Populations**. p. 129-162.

Hace ya bastante tiempo que ha sido reconocido en la literatura que la hibridación, entre individuos procedentes de poblaciones con diferentes genotipos, tiende a aumentar la frecuencia de mutación. Los autores de este capítulo fundamentándose en su propia investigación —y en aquella de otros genetistas— sobre el factor de recombinación masculina (RM) en *Drosophila melanogaster*, elaboran la “hipótesis de la liberación de la actividad mutadora por hibridación”. Esta hipótesis trata de explicar como la baja frecuencia de mutación en una población aislada, ha sido establecida por selección natural valiéndose de supresores genéticos de mutación, los cuales inhiben la expresión de los factores de mutación que —en su concepto— están siempre presentes en el genotipo. Estos supresores de